

EMERGENCIA POR COVID-19

Contadores públicos podrán hacer trámites

Guadalupe Hernández
negocios@eldiario-dehoy.com

El Ministerio de Salud emitió ayer una resolución en la que autoriza a los contadores públicos a seguir brindando sus servicios profesionales a las empresas que requieran cumplir con sus obligaciones mercantiles y tributarias en tiempo. Esto luego que muchas empresas se mostraran preocupadas por la obligación de hacer declaraciones tributarias que ya vencieron o que están por vencer.

“Podrá circular toda persona que brinde servicios de contaduría pública con este único fin, para lo cual deberá portar su carné que lo acredite como tal y carta que exprese el nombre de la empresa que requiere tales servicios, el cargo, horarios y contacto del empleador, entre otros detalles”, señala el documento oficial publicado.

El ministro de Hacienda, Nelson Fuentes, anunció que este jueves presentará en la Asamblea Legislativa un nuevo decreto para que las empresas puedan pagar el Impuesto sobre la Renta (ISR) hasta el próximo 30 de junio.

“Ya se le incorporaron unos párrafos donde se incluye el período de insolvencia que se generó para los contribuyentes”, explicó el funcionario este martes en una entrevista televisiva.

La iniciativa de facilitación de incumplimiento (del pago) cubrirá desde el 30 de abril hasta la fecha que se apruebe el nuevo decreto, añadió.

El nuevo decreto llegará a la Comisión de Hacienda y Especial del Presupuesto, la que deberá evaluar la posibilidad de ratificar la normativa de tal manera que los contribuyentes tengan como plazo el 30 de junio para presentar declaración de renta y pago del impuesto correspondiente al ejercicio fiscal 2019.

Eduardo Leiva es uno de los tantos empresarios salvadoreños que por el momento aparece en situación de mora en Hacienda, y que por lo tanto espera que se haga realidad el beneficio anunciado el mes pasado por el gobierno.

“Yo tengo que pagar unos 16,000 dólares de renta, pero como no tenía esa cantidad esperaba ampararme al decreto, pues mi negocio está cerrado desde marzo pasado y no he logrado pagar ni las cuotas del

Opinión

MIGUEL MORALES >> UN VIAJE A TRAVÉS DEL TIEMPO

Subámonos a una máquina del tiempo y seleccionemos viajar al pasado. ¿Qué tanto? 320 millones de años. Luego de unas sacudidas por el turbulento trayecto, salimos de la -máquina y lo primero que notamos es la densa jungla que se extiende por todos lados. Si pudiéramos ver la Tierra desde el espacio observáramos un solo continente: Pangea, cubierta por completo de vegetación.

Bienvenidos al periodo del Carbonífero. Las plantas y árboles reinan en una tierra que aún no ha visto la presencia de bacterias degradantes de madera y productos orgánicos. Al no haber putrefacción no se libera dióxido de carbono, por lo que el aire contiene 35% de oxígeno (en nuestro tiempo es 21%). Tanto oxígeno permite la presencia de insectos gigantes. Libélulas con alas que abarcan casi un metro, cien pies que miden 2 metros de largo y medio metro de ancho (para los curiosos, se llaman arthropleura).

En medio del denso follaje unas lagartijas se escabullen. Son unos vertebrados que forman parte del grupo llamado amniotas, y son el último ancestro en común entre murciélagos, pájaros... y seres humanos. Una de esas lagartijas insignificantes se enfermó en algún momento por un virus nuevo. Un virus ARN que al ser visto con microscopio de electrones parece tener una corona. El primer coronavirus. A medida transcurren los siglos, los amniotas empiezan a mutar y divergir entre ellos. Un grupo grande dará lugar a los mamíferos. Otro a los reptiles y pájaros. Y los coronavirus que los infectaban se dividirán al igual.

Regresemos al presente. Los principales reservorios de coronavirus actualmente son pájaros y murciélagos. Hay 4 especies de coronavirus que infectan a humanos (y que causan del 10 al 30% de nuestros catarros comunes). Tienen nombres tan poco imaginativos como “HCoV-NL63”, y fueron transmitidos de los murciélagos (por zoonosis) en algún momento de la historia reciente. De hecho el NL63 fue el primero en saltar a humanos, específicamente, durante la Edad Media. Desde entonces ha habido saltos, algunos exitosos (baja mortalidad, alta capacidad de contagio) que llevan a la persistencia del virus entre humanos, y otros no exitosos (alta mortalidad y/o baja capacidad de contagio) que causan epidemias y desaparecen.

¿Cómo sabemos los tiempos aproximados de estos sucesos? Con el “reloj molecular”. Este concepto se basa en la velocidad de mutación del ADN,

ARN o proteínas. Si, por ejemplo, sabemos que en promedio el ADN de la bacteria XYZ muta en un punto cada 100 años, y analizamos dos especies cuyas diferencias son 3 mutaciones puntuales, calcularemos que hace 300 años se dio el “último ancestro en común” (en realidad, el proceso es muchísimo más complejo y requiere calibraciones constantes con fósiles y uso de estadística bayesiana).

¿Qué más nos puede decir el código genético del virus causante del COVID-19? Pues nos puede responder una de las principales teorías de conspiración actuales. ¿Es el SARS-CoV-2 un virus creado en laboratorio, o fugado accidentalmente de uno?

El doctor Kristian Andersen en marzo de este año publicó un serio análisis genético del nuevo coronavirus. En él se descubrieron varios puntos importantes.

- La proteína espiga (spike) del SARS-CoV-2 ha mostrado una mutación que le permite aferrarse con mayor afinidad a los receptores humanos que la del SARS. Esta proteína es como la llave que abre la puerta de la célula y permite su infección. Lo curioso es que los modelos computacionales que analizan interacciones moleculares predicen que esta unión no debería ser buena. La realidad contradice a nuestras máquinas. En otras palabras, un laboratorio que creara virus se dejaría guiar por las interacciones que dicta la inteligencia artificial. Si SARS-CoV-2 fuera artificial, la unión fuera demasiado “perfecta” y no es el caso.

- Se encontró en la misma proteína espiga un sitio de corte de una proteína “tijera” llamada furina. ¿Qué lo hace especial? Ningún coronavirus del género beta (al cual pertenece el SARS-CoV-2) tiene ese sitio. ¿Fue puesto a propósito? Resulta que los coronavirus que infectan al pangolín, un mamífero asiático, también tienen ese sitio particular. ¿Pudieron haberlo copiado los malignos investigadores chinos? Parece poco probable, porque esa secuencia de los pangolines se descubrió hasta que se empezaron a buscar los potenciales orígenes del SARS-CoV-2. No puedes usar aquello que aún no conoces.

- El “tijerazo” hecho por la furina permite que se peguen azúcares alrededor de la proteína espiga. Estos parecen funcionar como un escudo alrededor de la llave maestra del virus que lo protege del sistema inmune. Las células de laboratorio no tienen un sistema inmune, las de animales y humanos vivos, sí. Las defensas apuntan a una evolución en un entorno natu-

ral hostil, no artificial.

La hipótesis actual dicta que parte del código genético del nuevo coronavirus provino de algún murciélago (96% de similitud), que por cuestiones del azar pudo infectar un animal como el pangolín, donde por pura presión evolutiva tuvo que mutar su proteína espiga, con la mala suerte para nosotros que dicha proteína mutada le dio la capacidad de infectar también a seres humanos.

El uso del reloj biológico apunta que el ancestro común de la actual cepa apareció a finales de noviembre o inicios de diciembre de 2019, lo cual coincide con los reportes de los primeros casos confirmados en China.

Pero... ¿no existe una posibilidad que sea algo artificial? La ciencia rara vez es tajante, pero la verdad muchas veces se encuentra en la explicación más simple. ¿Qué es más probable, que haya sucedido un evento que ha pasado infinidad de veces de forma espontánea y natural (mutación y zoonosis), o un evento manipulado de una manera tan maestra que es capaz de simular la caótica e impredecible evolución viral, sin dejar un solo rastro de ello?

Quienes siguen las teorías de conspiración les gusta creer en un mundo oscuro, lleno de fuerzas invisibles a la persona común, que conducen el destino de la humanidad. Yo prefiero dejarme encandilar por la luz que ofrece la ciencia de lo conocido. Es una luz que da claridad, orden y vuelve pronosticable los fenómenos naturales. A través de ella puedo ver los hilos que conectan un virus que apareció hace 320 millones de años, cuya descendencia infectó todos los ancestros del murciélago hasta llegar a un fatídico día de invierno, en un mercado de animales exóticos donde dio los siguientes saltos evolutivos.

Vaya máquina del tiempo.

* Médico



Cura acusado de agresión sexual a tres menores continuará preso

David Marroquín
sucosol@eldiariodehoy.com

El cura guatemalteco José Venancio Boror Uz, de 63 años, seguirá detenido, luego de que el Juzgado Quinto de Instrucción le denegara la libertad condicional solicitada por sus abogados defensores en una audiencia de revisión de medidas.

La defensa del sacerdote argumentó que su cliente está enfermo, por lo que era necesario que siguiera siendo procesado en libertad.

Su abogada, Delma Rivas, dijo antes de la diligencia judicial pediría que Boror Uz sea procesado en libertad condicional porque se le sube la presión arterial a raíz de que pa-

dece de una enfermedad que no reveló. Agregó que presentarían la documentación migratoria que supuestamente demuestra que el cura estaba en Guatemala, en las fechas en las que una de las víctimas aseguró que abusó sexualmente de ella. Pero la referida documentación no fue tomada en cuenta por el juez porque está vinculada a otro proceso judicial que el cura tiene en el Tribunal Quinto de Sentencia por delitos similares.

La segunda audiencia fue programada por el tribunal Quinto de Sentencia en un intento de sus defensores para lograr la libertad condicional del sacerdote, quien guarda prisión en un centro penal desde abril del año pasado.